



Portée détaillée v.1 de l'attestation N° 8-3503

Detailed scope v.1 of the attestation N° 8-3503
 Date de publication / Publish date: 13/03/2024

Section Santé Humaine

La portée détaillée concerne les prestations réalisées par :

CENTRE ANTICANCEREUX L BERARD

Site Laboratoire de Génétique Constitutionnelle des Cancers Fréquents HCL / CLB :

BM GC03 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)				
Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Initial Recherche des réarrangements de grande taille des gènes MLH1-MSH2-EPCAM	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-011 Validation de la méthode MLPA gènes MLH1-MSH2-EPCAM Méthode adaptée/développée	Extension 2018
Test Initial Recherche des réarrangements de grande taille des gènes MSH6-EPCAM	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-012 Validation de la méthode MLPA gènes MSH6-EPCAM Méthode adaptée/développée	Extension 2018
Test Initial Recherche des réarrangements de grande taille des gènes PALB2-RAD51C-RAD51D	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-017 Validation de la méthode MLPA Sein_Ovaire VM-021 Validation de la méthode MLPA gènes PALB2-RAD51C-RAD51D Méthode adaptée/développée	Extension 2018
Test Initial Recherche des réarrangements de grande taille du gène BRCA1	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-017 Validation de la méthode MLPA Sein_Ovaire VM-015 Validation de la méthode MLPA gène BRCA1 Méthode adaptée/développée	Extension 2018

BM GC03 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)

Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Initial Recherche des réarrangements de grande taille du gène BRCA2	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-017 Validation de la méthode MLPA Sein_Ovaire VM-016 Validation de la méthode MLPA gène BRCA2 Méthode adaptée/développée	Extension 2018
Test Initial Recherche des réarrangements de grande taille du gène CDH1	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-014 Validation de la méthode MLPA gène CDH1 Méthode adaptée/développée	Ajout 2019
Test Initial Recherche des réarrangements de grande taille du gène PMS2	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-013 Validation de la méthode MLPA gène PMS2 Méthode adaptée/développée	Extension 2018
Test Prédicatif Recherche des réarrangements de grande taille des gènes MLH1-MSH2-EPCAM	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-011 Validation de la méthode MLPA gènes MLH1-MSH2-EPCAM Méthode adaptée/développée	Extension 2018
Test Prédicatif Recherche des réarrangements de grande taille des gènes MSH6-EPCAM	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-012 Validation de la méthode MLPA gènes MSH6-EPCAM Méthode adaptée/développée	Extension 2018
Test Prédicatif Recherche des réarrangements de grande taille des gènes PALB2-RAD51C-RAD51D	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-017 Validation de la méthode MLPA Sein_Ovaire VM-021 Validation de la méthode MLPA gènes PALB2-RAD51C-RAD51D Méthode adaptée/développée	Extension 2018
Test Prédicatif Recherche des réarrangements de grande taille du gène BRCA1	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-017 Validation de la méthode MLPA Sein_Ovaire VM-015 Validation de la méthode MLPA gène BRCA1 Méthode adaptée/développée	Extension 2018

BM GC03 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)

Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Prédictif Recherche des réarrangements de grande taille du gène BRCA2	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-017 Validation de la méthode MLPA Sein_Ovaire VM-016 Validation de la méthode MLPA gène BRCA2 Méthode adaptée/développée	Extension 2018
Test Prédictif Recherche des réarrangements de grande taille du gène CDH1	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-014 Validation de la méthode MLPA gène CDH1 Méthode adaptée/développée	Ajout 2019
Test Prédictif Recherche des réarrangements de grande taille du gène PMS2	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique MLPA (MRC Holland ; système ABI, Life Technologies)	VM-013 Validation de la méthode MLPA gène PMS2 Méthode adaptée/développée	Extension 2018

BM GC04 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)

Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène APC	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-035_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène APC Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène BMPR1A	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-033_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène BMPR1A Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène CDH1	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-027_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène CDH1 Méthode adaptée/développée	Ajout 2019
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène CTNNA1	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-034_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène CTNNA1 Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène MLH1	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-004_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène MLH1 Méthode adaptée/développée	Accréditation initiale

BM GC04 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)

Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène MSH2	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-005_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène MSH2 Méthode adaptée/développée	Ajout 2016
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène MSH6	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-006_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène MSH6 Méthode adaptée/développée	Ajout 2016
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène MUTYH	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-030_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène MUTYH Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène PMS2	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-007_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène PMS2 Méthode adaptée/développée	Ajout 2016
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène POLD1	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-025_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène POLD1 Méthode adaptée/développée	Ajout 2019
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène POLE	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-026_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène POLE Méthode adaptée/développée	Ajout 2019

BM GC04 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)

Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène SMAD4	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-032_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène SMAD4 Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles du gène STK11	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-031_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène STK11 Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène APC	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-035_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène APC Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène BMPR1A	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-033_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène BMPR1A Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène BRCA1	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-002_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène BRCA1 Méthode adaptée/développée	Accréditation initiale
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène BRCA2	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-003_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène BRCA2 Méthode adaptée/développée	Accréditation initiale

BM GC04 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)

Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène CDH1	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-027_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène CDH1 Méthode adaptée/développée	Ajout 2019
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène CTNNA1	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-034_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène CTNNA1 Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène MLH1	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-004_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène MLH1 Méthode adaptée/développée	Accréditation initiale
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène MSH2	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-005_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène MSH2 Méthode adaptée/développée	Ajout 2016
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène MSH6	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-006_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène MSH6 Méthode adaptée/développée	Ajout 2016
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène MUTYH	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-030_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène MUTYH Méthode adaptée/développée	Ajout 2022

BM GC04 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)

Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène PALB2	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-008_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène PALB2 Méthode adaptée/développée	Ajout 2017
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène PMS2	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-007_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène PMS2 Méthode adaptée/développée	Ajout 2016
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène POLD1	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-025_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène POLD1 Méthode adaptée/développée	Ajout 2019
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène POLE	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-026_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène POLE Méthode adaptée/développée	Ajout 2019
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène RAD51C	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-009_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène RAD51C Méthode adaptée/développée	Ajout 2017
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène RAD51D	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN_Sanger VM-010_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène RAD51D Méthode adaptée/développée	Ajout 2017

BM GC04 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)

Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène SMAD4	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN Sanger VM-032_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène SMAD4 Méthode adaptée/développée	Ajout 2022
Test Prédictif Recherche de mutations ponctuelles du gène STK11	Prélèvement sanguin Prélèvement buccal ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Séquençage par méthode de Sanger (système ABI, Life Technologies)	VM-001_Validation initiale méthode de séquençage d'ADN Sanger VM-031_Validation de la méthode de séquençage d'ADN par la technique de Sanger pour le gène STK11 Méthode adaptée/développée	Ajout 2022

BM GC07 - BIOLOGIE MEDICALE / GENETIQUE (SH) / GÉNÉTIQUE CONSTITUTIONNELLE (SH)

Examen / analyse <i>Examination / analysis</i>	Nature de l'échantillon biologique/de la région anatomique <i>Nature of the biological sample/of the anatomical region</i>	Principe de la méthode <i>Principle of the method</i>	Référence de la méthode <i>Reference of the method</i>	Nature de l'évolution (ajout, changement affectant les performances de la méthode, ...) et Remarque <i>Remarks</i>
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles et RGT Panel de gènes HBOC	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique NGS, robot pipeteur Hamilton dédié aux préparations de bibliothèques, séquenceur Illumina, traitement bio-informatique externalisé	VM-028 Validation de la méthode de séquençage d'ADN par NGS Panel de gènes HBOC_HCS_SophiaGenetics_Hamilton	Ajout 2021
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles et RGT Panel de gènes HBOC	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues (Portée A) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique NGS, séquenceur Illumina, traitement bio-informatique externalisé	VM-018 Validation de la méthode de séquençage d'ADN par NGS Panel de gènes HBOC_HCS_SophiaGenetics	Extension 2018 Ajout 2019 lecture des gènes EPCAM et PMS2
Test Initial Recherche de mutations ponctuelles et RGT Panel Digestif	Prélèvement sanguin ADN extrait par un laboratoire extérieur	Méthodes reconnues, adaptées ou développées (Portée B) Méthode de type qualitatif Extraction d'acides nucléiques, Technique NGS, séquenceur Illumina, traitement bio-informatique internalisé	VM-024 Validation de la méthode de séquençage d'ADN par NGS Panel Digestif_XTHS Méthode adaptée/développée	Extension 2019 Ajout 2022 lecture du gène CTNNA1